

**Prevalencija termotolerantnih vrsta roda *Campylobacter* u pilećem mesu i
tipizacija određivanjem slijedova nukleotida na više genskih lokusa manjeg
podskupa izolata *Campylobacter jejuni* i *Campylobacter coli***

Sažetak

Za određivanje termotolerantnih vrsta roda *Campylobacter* u svježem pilećem mesu analiziran je 241 uzorak iz maloprodaje u Hrvatskoj, i to pomoću standardne metode, biokemijskog testa i metode lančane reakcije polimeraze, nakon koje je provedena analiza restriktičkim enzimima. Utvrđena je prevalencija vrsta *Campylobacter* od 73.86 %. Vrsta *Campylobacter jejuni* potvrđena je u 53.53 %, a *Campylobacter coli* u 15.35 % uzoraka. Za 4.98 % uzoraka nije potvrđena konačna pripadnost termotolerantnim vrstama roda *Campylobacter*. Za procjenu genetske raznolikosti osam izolata *Campylobacter jejuni* i četiri izolata *C. coli* upotrijebljena je metoda tipizacije određivanjem slijedova nukleotida na više genskih lokusa. Prema našim saznanjima, ovo su prvi podaci o zastupljenosti tipova nukleotidnih slijedova i klonalnih kompleksa izolata *Campylobacter jejuni* i *C. coli* u Hrvatskoj. Određivanjem slijedova nukleotida na više genskih lokusa pomoću tipizacije potvrđen je novi alel za genski lokus *tkt*, označen kao *tkt508*. Genotipovi *C. jejuni* ST 6182 i *C. coli* ST 6183 po prvi su put opisani, a svi ostali prepoznati genotipovi grupirani su u već ranije opisane tipove nukleotidnih slijedova i klonalnih kompleksa. Rezultati istraživanja daju korisne podatke o prevalenciji i epidemiologiji vrsta *Campylobacter jejuni* i *Campylobacter coli* u Hrvatskoj.

Ključne riječi: termotolerantne vrste roda *Campylobacter*, pileće meso, prevalencija, tipizacija određivanjem slijedova nukleotida na više genskih lokusa (MLST), Hrvatska